



انجمن عناصر کمیاب ایران

ششمین کنگره سراسری عناصر کمیاب ایران تهران، دانشگاه تهران، ۶ الی ۸ اسفند ۱۳۹۸



حذف زیستی آرسنیک به کمک سودوموناس آئروژینوزا IAUF-11ZBK

از فاضلاب شهری در اصفهان ندا حیدری خویی^۱ - منیر دودی^{۲*}



چکیده

۱. دانشجوی کارشناسی ارشد، گروه میکروبیولوژی، دانشگاه آزاد اسلامی واحد فلاورجان، فلارجان، اصفهان، ایران
۲. استادیار گروه میکروبیولوژی، دانشگاه آزاد اسلامی واحد فلاورجان، فلارجان، اصفهان، ایران

میکروارگانسم‌هایی که می‌توانند در غلظت‌های بالای فلزات سنگین رشد کنند برای پاکسازی زیستی از طریق اکسیداسیون و احیا و یا تثبیت مناسب هستند. هدف از مطالعه حاضر جداسازی و شناسایی باکتری‌های مقاوم به آرسنیک از فاضلاب شهری و حذف این فلز در شرایط آزمایشگاهی به کمک این باکتری‌ها بود. نمونه‌گیری از پساب ورودی فاز ۲ تصفیه خانه فاضلاب شاهین شهر و پساب شرکت پلی‌اکریل اصفهان انجام شد. باکتری‌های مقاوم به آرسنیک در محیط کشت PHGII حاوی نمک سدیم دی‌هیدروژن آرسنات با غلظت ۰/۱ مولار جداسازی شدند. این باکتری‌ها از نظر میزان مقاومت به این فلز مورد بررسی و ارزیابی قرار گرفتند. جهت ارزیابی کمترین غلظت بازدارنده (MIC) و بیشترین غلظت کشنده (MBC) فلز آرسنیک بر روی باکتری‌های جداسازی شده از روش انتشار در آگار استفاده شد. جهت شناسایی مولکولی این باکتری‌ها از روش کلنی-PCR استفاده شد. جدایه‌های مقاوم به آرسنیک مربوط به باکتری‌های *باسیلوس سفنیسیس OPL*، *سودوموناس آئروژینوزا IAUF-11ZBK*، *استنتوتروفوموناس مالتوفیلیا IR-Isfahan (G)* و *استنتوتروفوموناس مالتوفیلیا 5633* بودند. بیشترین MIC (۱۴ میلی‌گرم بر لیتر) متعلق به باکتری *استنتوتروفوموناس مالتوفیلیا* سویه *IR-Isfahan (G)* و کمترین MIC (۷ میلی‌گرم بر لیتر) متعلق به باکتری‌های *باسیلوس سفنیسیس OPL* و *سودوموناس آئروژینوزا IAUF-11ZBK* بود. *سودوموناس آئروژینوزا IAUF-11ZBK* قادر به حذف زیستی آرسنیک از پساب‌ها تا حد ۴/۱ میلی‌گرم در لیتر در شرایط آزمایشگاهی و محیط کشت بود. در نهایت می‌توان پیشنهاد داد که، این سویه پس از حذف ژن‌های مقاومت در برابر آنتی‌بیوتیک‌ها، زئوبیوتیک‌ها و سموم دفع آفات نباتی می‌تواند به عنوان یک باکتری مناسب جهت حذف زیستی آرسنیک از پساب‌ها پیشنهاد شود.

کلمات کلیدی: باکتری‌های مقاوم به آرسنیک، حذف زیستی، کلنی-PCR، MIC، MBC

* نویسنده مسئول: واحد فلاورجان، دانشگاه آزاد اسلامی، اصفهان، ایران. آدرس ایمیل: monirdoudi@yahoo.com, doudi@iaufala.ac.ir

بحث و نتیجه گیری

در بررسی حاضر ابتدا برای غنی سازی و جداسازی باکتری‌های مقاوم به آرسنیک، از محیط کشت IIPHG حاوی منو سدیم آرسنات ۰/۱ مولار استفاده شد. سپس باکتری‌هایی که بیشترین مقاومت را به آرسنیک نشان داده بودند، جهت ارزیابی مقاومت به غلظت‌های بالاتر آرسنیک مورد بررسی قرار گرفتند و از مقاوم‌ترین جدایه‌ها برای حذف زیستی آرسنیک در شرایط آزمایشگاهی استفاده شد. جدایه‌های مقاوم به آرسنیک مربوط به های *استنتوتروفوموناس مالتوفیلیا 5633*، *استنتوتروفوموناس مالتوفیلیا (G) IR-Isfahan*، *سودوموناس آئروژینوزا ZBK* و *باسیلوس سفنیسیس OPL* بودند که با روش کلنی-PCR شناسایی مولکولی شدند. گونه‌های متعلق به جنس های *استنتوتروفوموناس* و *سودوموناس* در مطالعات قبلی هم به عنوان جدایه‌های مقاوم به آرسنیک شناسایی شده بودند، به عنوان مثال کای و همکاران (۲۰۰۹) از نمونه‌های مختلف خاک، باکتری‌های مقاوم به آرسنیک را جداسازی کردند. این باکتری‌ها شامل جدایه‌هایی از جنس های *اسینتوتراکتر*، *اگروباکتریوم*، *آرتروباکتر*، *کوموموناس*، *رودوکوکوس*، *استنتوتروفوموناس* و *سودوموناس* بودند که با MIC بالاتر از ۲ میلی‌گرم بر لیتر به آرسنیک مقاومت نشان داده بودند (۱۹). *استنتوتروفوموناس* در سایر مطالعات نیز از جمله مقاوم‌ترین باکتری‌ها به حذف زیستی آرسنیک گزارش شده است (۲۰). *استنتوتروفوموناس مالتوفیلیا* هم از جمله باکتری‌هایی است که در مطالعات قبلی بیشترین مقاومت آنتی‌بیوتیکی از آن گزارش شده است و ژن‌های مقاومت هم به کرات در آن مطالعه شده است (۲۱، ۲۲).

بیشتر مطالعات جذب و حذف زیستی آرسنیک با استفاده از گیاهان، طی پدیده جذب زیستی گیاهی (Phytoremediation) انجام شده است و گزارش‌های محدودتری در زمینه جذب و حذف زیستی با استفاده از باکتری‌ها وجود دارد (۲۳). در مورد باکتری‌ها بیشتر تحقیقات نیز بر روی مقاومت نسبت به آرسنیک صورت پذیرفته است (۲۴) و در زمینه حذف و جذب زیستی به وسیله این میکروارگانسم‌ها نیاز به تحقیقات بیشتری احساس می‌شود. میکروارگانسم‌ها معمولاً سمیت آرسنیک را از طریق اکسیداسیون کاهش می‌دهند. در مطالعه حاضر مطابق با نمودارهای ۱ در قسمت یافته‌ها سودوموناس آئروژینوزای *ZBK-IAUF-1* جداسازی شده نیز قادر به حذف زیستی آرسنیک با غلظت ۱/۴ میلی‌گرم در لیتر در شرایط آزمایشگاهی و مطابق با نمودار ۲ قادر به ورود این فلز در بیوماس باکتریایی در سلول خود بود. البته در مطالعه حاضر مکانیسم سمیت زدایی مورد بررسی قرار نگرفت.

نتیجه گیری کلی

یافته‌های این تحقیق نشان داد که، سویه‌های توانمند باکتریایی تا حدودی مقاوم به آرسنیک از نمونه‌های پساب جداسازی شدند ولی نکته قابل توجه در این یافته‌ها این بود که مقاوم‌ترین جدایه به آرسنیک، مقاومت بالایی نسبت به آنتی‌بیوتیک‌های مورد مطالعه هم نشان داده بود که این نتیجه می‌تواند نشان دهنده قابلیت بالای این جدایه‌ها در انتقال افقی ژن‌های مقاومت به آرسنیک و آنتی‌بیوتیک‌ها باشد. *سودوموناس آئروژینوزا* سویه *ZBK-IAUF-1* جداسازی شده در این تحقیق نه تنها تا حدودی حساسیت قابل توجهی نسبت به اکثر آنتی‌بیوتیک‌های مورد مطالعه نشان داد، بلکه همچنین در شرایط آزمایشگاهی قادر به حذف زیستی تا مرز ۱/۴ میلی‌گرم در لیتر آرسنیک بود و به عنوان یک سویه برتر باکتریایی جهت حذف زیستی آرسنیک پس از مطالعات بیشتر بر روی ژن‌های مقاومت آنتی‌بیوتیکی و حذف کامل آنها پیشنهاد می‌شود.

منابع

- WHO. 2010. Guideline for drinking water quality recommendation, Vol. 1, Geneva: World Health Organization, 154 p.
- Mahvi AH. 2008. Application of agricultural fibers in pollution removal from aqueous solution. *International Journal of Environmental Science and Technology*, 5(2): 275-285.
- Shen Z, Han J, Wang Y. 2013. The contribution of *ArsB* to arsenic resistance to *Campilobacterjejuni*. *PLOS ONE*, 8(3): e58894.
- Abbas SZ, Riaz M, Ramzan N, Zahid MT, Shaqoori FR, Rafatullah M. 2014. Isolation and characterization of arsenic resistant bacteria from wastewater. *Brazilian Journal of Microbiology*, 45(4): 1309-1315.
- Finnegan PM Chen W. 2012. Arsenic toxicity: The effects on plant metabolism. *Front Physiol*, 3: 182.
- Naujokas MF, Anderson B, Ahsan H, Aposhian HV, Graziano JH, Thompson C, Suk WA. 2013. The broad scope of health effects from chronic arsenic exposure: update on a worldwide public health problem. *Environmental Health Perspectives*, 121(3): 295-302.
- Guo H, Luo S, Chen L, Xiao X, Xi Q, Wei W, Zeng G, Liu C, Wan Y, Chen J, He Y. 2010. Bioremediation of heavy metals by growing hyperaccumulaorendophytic bacterium *Bacillus sp. L14*. *Bioresour. Technology*, 101(22): 8599-8605.
- Dey U Chatterjee S Mondal NK. 2016. Isolation and characterization of arsenic resistant bacteria and possible application in bioremediation. *Biotechnology Report*, 10: 1-7.
- Vijayaraghavan K, Yun YS. 2008. Bacterial biosorption. *Biotechnology*, 26: 266-291.
- Chattopadhyay MK, Grossart HP. 2010. Antibiotic resistance intractable, and here's why. *British Medical Journal*, 341: e6848.
- Chattopadhyay MK, Grossart HP. 2011. Antibiotic and heavy metal resistance of bacterial isolates obtained from some lakes in northern Germany. *NSHM Journal of Pharmacy and Healthcare Management*, 2: 74-75.
- Fillali BK, Taoufik F, Dzairi FZ, Talbi M, Blaghen M. 2000. Waste water bacterial isolates resistant to heavy metals and antibiotics. *Current Microbiology*, 41: 151-156.
- Pumpel T, Perfuß B, Pigher B, Diels L, Schinner F. 1995. A rapid screening method for the isolation of metal accumulating microorganism. *Journal of Industrial Microbiology*, 14: 213-217.
- Rice EW, Baird RB, Eaton AD, Clesceri LS. 2012. Standard methods for the examination of water and wastewater. 22nd ed., USA: American Public Health Association, 1496p.
- Baghel A, Singh B, Pandey P, Sekhar K. A 2007. A rapid field detection method for arsenic in drinking water. *Analytical Sciences*, 23(2):135-7.
- Cappuccino JG, Sherman N. 1996. *Microbiology, A Laboratory Manual*. 4th Ed. California: The Benjamin-Cummings Publishing Company, MenloPark, 186 p.
- Mishra V, Sharma R. 2015. Green synthesis of zinc oxide nanoparticles using fresh peels extract of *Punicagranatum* and its antimicrobial activities. *International Journal OfPharma Research and Health Sciences*, 3(3): 694-699.
- Cai L, Liu G, Rensing C, Wang G. 2009. Genes involved in arsenic transformation and resistance associated with different levels of arsenic-contaminated soils. *BMC microbiology*, 9(1):4.
- Achour AR, Bauda P, Billard P. 2007. Diversity of arsenite transporter genes from arsenic-resistant soil bacteria. *Research in microbiology*, 158(2): 128-137.
- Crossman LC, Gould VC, Dow JM, Vernikos GS, Okazaki A, Sebailia M, Saunders D, Arrowsmith C, Carver T, Peters N, Adlem E. 2008. The complete genome, comparative and functional analysis of *Streptophomonasmaltophilia* reveals an organism heavily shielded by drug resistance determinants. *Genome Biology*, 2008 Apr;9(4):R74.
- Finnegan PM Chen W. 2012. Arsenic Toxicity: The Effects on Plant Metabolism. *Front Physiol*, 3: 182.
- Zhang L, Liao Q, Shao S, et al. 2015. Heavy metal pollution fractionation and potential ecological risks in in sediments from Lake Chaohu (Etern China) and the surrounding rivers. *International Journal of Environmental Research and Public Health*, 12(11): 14115-31.

نتایج

خصوصیات فیزیکی و شیمیایی نمونه‌های پساب مورد مطالعه ۲ نتایج اندازه گیری پارامترهای فیزیکوشیمیایی و همچنین غلظت آرسنیک در جدول ۱ ارائه شده است.

جدول ۱: پارامترهای فیزیکی شیمیایی و میزان آرسنیک پساب‌ها

پساب‌ها	دما (°C)	pH	BOD5 (mg/l)	COD (mg/l)	مقدار آرسنیک (mg/L=ppm)
ورودی فاز ۲ تصفیه خانه فاضلاب شاهین شهر	۱۶/۸	۷/۳۳	۸۷۰	۴۵۷۳	۰/۷۳۰
پساب شرکت پلی‌اکریل اصفهان	۱۴/۹	۷/۲۴	۳۷۵	۲۰۹۳	۱/۸۹۵

میانگین جمعیت باکتری‌های هتروتروف در پساب تصفیه خانه فاضلاب شاهین شهر و پساب کارخانه پلی‌اکریل اصفهان به ترتیب برابر با ۵۰۱/۷×۱۰^{۱۲} و ۵/۴۵×۱۰^{۱۲} cfu/ml بود و تفاوت معنی داری در میانگین جمعیت باکتری‌های دو پساب مشاهده نشد (P>۰/۰۵). به طور کلی ۴ جدایه باکتریایی (*As1*, *As2*, *As3*, *As4*) مقاوم به آرسنیک از دو پساب جداسازی شدند، که مشخصات آنها همراه با نتایج حاصل از بررسی میزان مقاومت آنها به آرسنیک بر اساس حداقل غلظت مهار کننده رشد (MIC) و حداقل غلظت کشنده (MBC) در جدول ۲ ارائه شده است. بالاترین میزان MIC و MBC متعلق به جدایه *As3* به ترتیب برابر با ۱۴ و ۱۶ میلی‌گرم بر میلی‌لیتر به دست آمد. نتایج شناسایی مولکولی بامشاهده می‌شود.

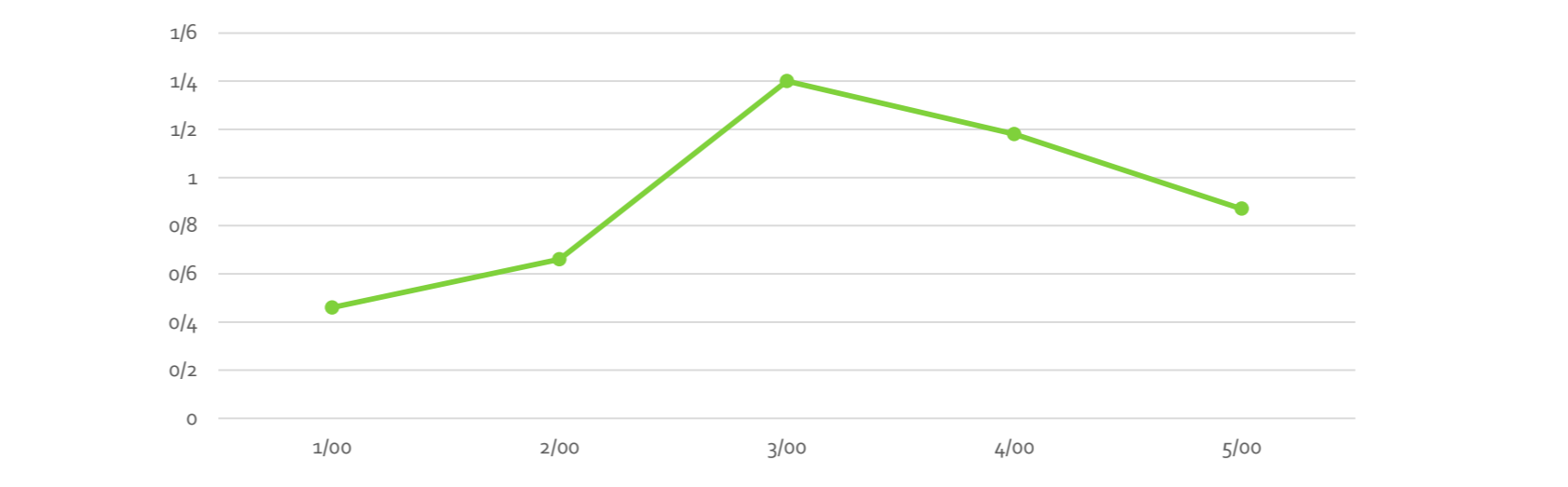
جدول ۲: خصوصیات باکتری‌ها و مقاومت آنها به آرسنیک

علامت اختصاری	مورفولوژی	واکنش گرم	MIC (میلی‌گرم بر میلی‌لیتر)	MBC (میلی‌گرم بر میلی‌لیتر)
As1	باسیل	گرم مثبت	۷	۸
As2	باسیل	گرم منفی	۷	۸
As3	باسیل	گرم منفی	۱۴	۱۶
As4	باسیل	گرم منفی	۸	۱۰

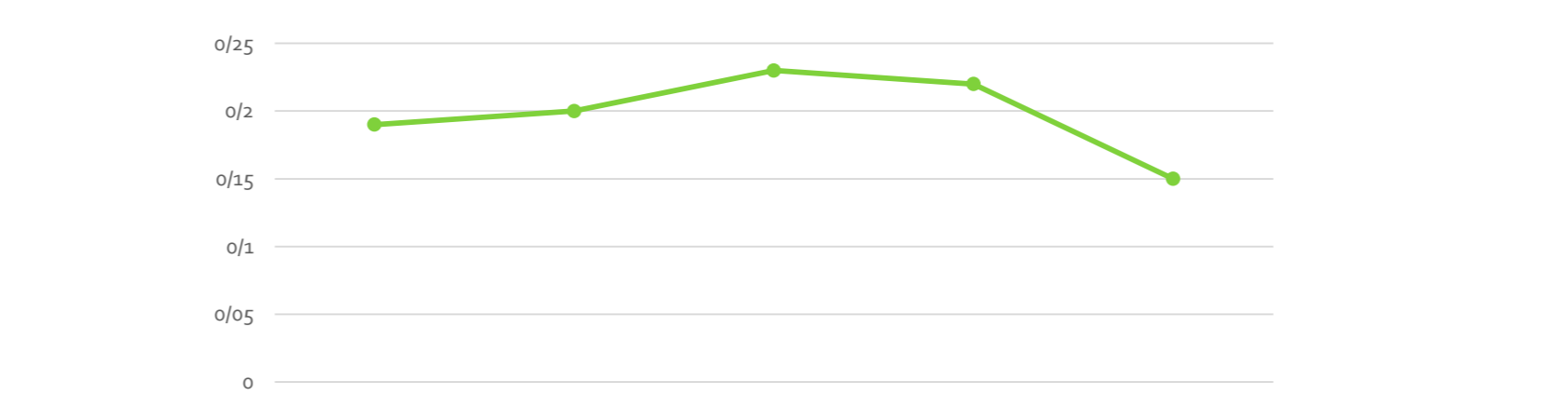
جدول ۳: شناسایی مولکولی جدایه‌ها

علامت اختصاری	نام جنس و گونه باکتری
As1	باسیلوس سفنیسیس OPL
As2	سودوموناس آئروژینوزا ZBK-IAUF-11
As3	استنتوتروفوموناس مالتوفیلیا سویه IR Isfahan (G)
As4	استنتوتروفوموناس مالتوفیلیا سویه 5633

نتایج نمودار ۱ نشان می‌دهد که، میزان جذب آرسنیک توسط سودوموناس آئروژینوزا *ZBK-IAUF-11* در دقایق ابتدایی (۰ تا ۴۰ دقیقه) سریعتر بوده است ولی در زمان ۴۰ الی ۸۰ دقیقه این روند با سرعت خیلی پایینتری دنبال شده است. سپس در فاصله زمانی ۸۰ الی ۱۲۰ دقیقه روند جذب با شتاب تندتری ادامه یافته است و ۱۲۰ دقیقه بعد افت شدیدی در جذب آرسنیک نشان داده است. و در فاصله ۱۲۰ تا ۱۶۰ دقیقه نیز مجدداً افت شدید مشاهده می‌شود، با توجه به نمودار ۲ می‌توان چنین استنباط نمود که رشد باکتری در حضور فلز آرسنیک نیز با روند جذب آن هم خوانی داشته است. به طوری که تا ۸۰ دقیقه اول روند افزایشی با شیب ملایم نشان داده است و پس از آن با گذشت زمان کاهش چشمگیری بدنبال داشته است.



نمودار ۱. میزان جذب آرسنیک توسط باکتری *سودوموناس آئروژینوزا* سویه *ZBK-IAUF-11* در زمان‌های مختلف (۱: زمان صفر، ۲: ۴۰ دقیقه، ۳: ۸۰ دقیقه، ۴: ۱۲۰ دقیقه، ۵: ۱۶۰ دقیقه پس از شروع انکوباسیون).



نمودار ۲. میزان بیومس باکتری *سودوموناس آئروژینوزا* سویه *ZBK-IAUF-11* در زمان‌های مختلف (۱: زمان صفر، ۲: ۲۰ دقیقه، ۳: ۴۰ دقیقه، ۴: ۸۰ دقیقه، ۵: ۱۶۰ دقیقه پس از شروع انکوباسیون).

مواد و روش‌ها

نمونه برداری

نمونه برداری از پساب ورودی فاز ۲ تصفیه خانه فاضلاب شاهین شهر و پساب شرکت پلی‌اکریل اصفهان انجام شد. نمونه برداری در بطری‌های دهان گشاد شیشه‌ای یا پلاستیکی انجام پذیر یک لیتری استریل انجام گردید. درب بطری تا زمان آزمایش بر روی نمونه‌ها باز نشد و حدود ۵/۲ سانتی‌متر از سر ظرف (به منظور قابلیت مخلوط کردن نمونه قبل از استفاده) خالی گذاشته شد. نمونه‌ها روی یخ به آزمایشگاه منتقل گردید و در عرض ۵ الی ۶ ساعت آزمایش بر روی آن‌ها انجام گرفت و تا حرارت ۴°C سرد شد و حداکثر طی ۸ الی ۲۴ ساعت پس از نمونه برداری استفاده شد (۱۳). ابتدا دما و pH نمونه‌ها اندازه‌گیری شد. سپس پارامترهای *BOD* و *COD* هر نمونه با روش‌های استاندارد سنجش شد (۱۴).

اندازه‌گیری میزان آرسنیک در نمونه‌های پساب

ابتدا نمونه‌ها کاملاً مخلوط شد و سپس ۵۰ تا ۱۰۰ میلی‌لیتر از آن‌ها به یک بالن ۲۰۰ میلی‌لیتری انتقال داده شد. مقدار ۵ میلی‌لیتر اسید نیتریک غلیظ به نمونه اضافه گردید و بر روی حمام به آرامی تبخیر شد. عمل هضم تا رسیدن به محلول شفاف ادامه داده شد و اجازه داده شد که نمونه در طول مرحله هضم خشک گردد. هنگامی که میزان نمونه به ۱۰ الی ۲۰ میلی‌لیتر تقلیل یافت، جدار بالن با آب مقطر شستشو داده شد و نمونه به حجم رسانده شد. سپس میزان آرسنیک بر حسب میلی‌گرم بر لیتر (ppm) با روش جذب اتمی تعیین شد (۱۵).

آنالیز میکروبی و جداسازی باکتری‌های مقاوم به آرسنیک

شمارش تعداد باکتری‌های هتروتروف موجود در پساب‌ها به روش پورپلیت انجام گرفت. جهت جداسازی باکتری‌های مقاوم به آرسنیک از روش انتشار در آگار استفاده شد. ترکیبات این محیط عبارتند از پیتون: ۴ گرم، عصاره مخمر: ۱ گرم، گلوکز: ۲ گرم، آگار: ۱۵ گرم. ترکیبات فوق را در ۱۰۰۰ میلی‌لیتر آب مقطر دی‌پوینزه حل کرده و به مدت ۱۵ دقیقه در ۱۲۱°C به اتوکلاو استریل شد. هنگامی که حرارت محیط کشت در حدود ۵۵°C رسید، محلول فلزی به محیط کشت افزوده شد. محیط کشت حاوی نمک سدیم دی‌هیدروژن آرسنات با غلظت ۰/۱ مولار بود. pH محیط کشت برابر با ۷ تنظیم شد. پس از رشد کلنی‌های مقاوم در دمای ۳۰°C به مدت ۲ تا ۵ روز، کلنی‌ها در لوله‌های حاوی محیط کشت *PHG II* براه با همان غلظت فلز محیط اولیه (۰/۵ میلی‌مولار) غنی‌سازی و خلل‌سازی شد (۱۶).

تعیین حداقل غلظت ممانعت کننده رشد آرسنیک

به منظور تعیین MIC آرسنیک بر روی باکتری‌های مقاوم جداسازی شده از روش انتشار در آگار استفاده شد. برای این هدف پلیت‌های حاوی محیط کشت *PHG II* آگار با غلظت‌های مختلف فلز (۱، ۲، ۳، ۴، ۵، ۱۰، ۱۶ و ۳۲ میلی‌مولار و غلظت‌های مابین آنها) تهیه شد به طوری که هر پلیت حاوی یک غلظت معین از فلز بود. سپس کلنی‌های مقاوم به صورت شعاعی بر سطح پلیت کشت داده شد و نهایتاً پلیت‌ها به مدت ۲ روز در ۳۰°C قرار داده می‌شد. بر اساس حداقل غلظتی از فلز که از رشد باکتری ممانعت کرده بود، MIC تعیین گردید (۱۷).

شناسایی مولکولی باکتری‌های مقاوم به آرسنیک

به منظور شناسایی مولکولی باکتری‌ها توالی ژن *rRNA 16S* آنها با استفاده از پرایمرهای یونیورسال تکثیر گردید و توالی‌های تکثیر شده در سایت *NCBI* به کمک سرور *BLAST* مورد ارزیابی قرار گرفت. در نهایت بر اساس همولوژی ۹۵ تا ۹۹ درصد، گونه باکتری شناسایی شد (۱۸).